

Supplementary Table S4. Top 10 up- and downregulated genes in POU2F3-positive EP-NEC/PDC

	Log2 fold change	Standard error (log2)	Lower confidence limit (log2)	Upper confidence limit (log2)	Linear fold change	Lower confidence limit (linear)	Upper confidence limit (linear)	<i>p</i> value
<i>PIK3R5</i>	4.94	1.06	2.86	7.03	30.70	7.25	130.00	0.00091
<i>PLCG2</i>	4.49	1.05	2.43	6.54	22.40	5.40	93.00	0.00160
<i>BCL2</i>	3.87	1.08	1.77	5.98	14.70	3.40	63.20	0.00482
<i>MYB</i>	3.46	0.78	1.92	4.99	11.00	3.79	31.80	0.00130
<i>PRLR</i>	3.10	1.05	1.05	5.15	8.56	2.07	35.40	0.01420
<i>HGF</i>	2.72	1.13	0.51	4.93	6.57	1.42	30.40	0.03670
<i>PAX5</i>	2.65	0.78	1.13	4.18	6.28	2.18	18.10	0.00669
<i>TMPRSS2</i>	2.58	1.08	0.47	4.69	5.97	1.38	25.90	0.03790
<i>WNT5A</i>	2.46	1.08	0.34	4.58	5.50	1.27	23.80	0.04600
<i>PLA2G4A</i>	2.28	1.93	-1.49	6.06	4.86	0.36	66.50	0.26300
<i>ERBB2</i>	-5.15	1.17	-7.45	-2.84	0.03	0.01	0.14	0.00137
<i>FOSL1</i>	-4.72	1.21	-7.09	-2.36	0.04	0.01	0.20	0.00290
<i>DUSP4</i>	-3.27	0.73	-4.70	-1.85	0.10	0.04	0.28	0.00114
<i>TCF7L1</i>	-3.07	0.94	-4.90	-1.23	0.12	0.03	0.43	0.00838
<i>LAMA3</i>	-3.02	1.09	-5.16	-0.89	0.12	0.03	0.54	0.01960
<i>SFRP4</i>	-2.95	1.18	-5.26	-0.64	0.13	0.03	0.64	0.03130
<i>RIN1</i>	-2.93	0.80	-4.49	-1.36	0.13	0.04	0.39	0.00442
<i>INHBA</i>	-2.90	0.77	-4.41	-1.39	0.13	0.05	0.38	0.00364
<i>PPARG</i>	-2.86	1.13	-5.08	-0.64	0.14	0.03	0.64	0.03040
<i>LFNG</i>	-2.85	0.82	-4.46	-1.24	0.14	0.05	0.42	0.00608